DOI: 10.22625/2072-6732-2019-11-4-42-46

ПРОГНОЗИРОВАНИЕ РАЗВИТИЯ ЛИПИДНОГО ДИСТРЕСС-СИНДРОМА У ПАЦИЕНТОВ СО СТОЙКИМ ОТВЕТОМ НА ПРОТИВОВИРУСНУЮ ТЕРАПИЮ ХРОНИЧЕСКОГО ГЕПАТИТА С

Д.Ю. Константинов 1 , Г.В. Недугов 2

¹Самарский государственный медицинский университет, Самара, Россия

Predict of the development of lipid distress syndrome in patients with a sustained response to antiviral therapy of chronic hepatitis C

D.Yu. Konstantinov¹, G.V. Nedugov²

¹Samara State Medical University, Samara, Russia

Резюме

Цель: разработать на основе клинико-лабораторных данных способ прогнозирования развития липидного дистресс-синдрома у пациентов со стойким ответом на противовирусную терапию хронического гепатита С.

Материалы и методы: изучены исходы в отношении развития липидного дистресс-синдрома у 235 пациентов со стойким ответом на противовирусную терапию хронического гепатита С на протяжении периода наблюдения от 1 года до 10 лет.

Результаты: на основе дискриминантного анализа данных комплексного обследования 135 пациентов разработана дискриминантная модель прогнозирования развития липидного дистресс-синдрома у пациентов со стойким ответом на противовирусную терапию хронического гепатита С. На основе данных обследования других 100 пациентов осуществлена кросс-проверка точности прогнозирования.

Выводы: разработанная дискриминантная модель позволяет путем определения 5 биохимических и иммунологических показателей крови (холестерин, липопротеиды низкой плотности, гомоцистеин, интерлейкины 4 и 10, ФНО) прогнозировать развитие липидного дистресс-синдрома у пациентов со стойким ответом на противовирусную терапию хронического гепатита С. Чувствительность, специфичность, прогностическая ценность положительного и отрицательного результатов прогнозирования и индекс точности разработанной дискриминантной модели прогнозирования липидного дистресс-синдрома равны 100%. Предложенный метод целесообразно использовать в клинической практике для прогнозирования развития липидного дистресс-синдрома у пациентов со стойким ответом на противовирусную терапию хронического гепатита С.

Ключевые слова: липидный дистресс-синдром, хронический вирусный гепатит С, устойчивый вирусологический ответ, прогнозирование, дискриминантный анализ.

Abstract

The aim is to develop a method for predicting the development of lipid distress syndrome in patients with a sustained response to antiviral therapy of chronic viral hepatitis C on the basis of clinical and laboratory data.

Materials and methods. The outcomes of lipid distress syndrome were studied in 235 patients with a sustained virological response to antiviral therapy of chronic hepatitis C during the follow-up period from 1 to 10 years.

Results. On the basis of discriminant analysis of the data of complex examination of 135 patients, a discriminant model of predicting the development of lipid distress syndrome in patients with a sustained response to antiviral therapy of chronic hepatitis C. On the basis of the data of the survey of other 100 patients, cross-checking the accuracy of the prediction was carried out.

Conclusion. Developed diskriminantnaja model allows by identifying 5 of biochemical and immunological parameters of blood (low-density lipoproteins cholesterol, homocysteine, interleukin 4 and 10, TNF) to predict the development of lipid distress syndrome in patients with sustained response to antiviral therapy for chronic hepatitis \mathbf{C} . The sensitivity, specificity, predictive value of positive and negative results of forecasting and precision index developed forecasting model of Fisher discriminant lipid distress syndrome equal 100%. The proposed method should be used in clinical practice to predict development of lipid distress syndrome in patients with sustained response to antiviral therapy for chronic hepatitis \mathbf{C} .

Key words: lipid distress syndrome, chronic viral hepatitis C, sustained virological response, prognosis, discriminant analysis.

42 том 11, № 4, 2019 ЖУРНАЛ ИНФЕКТОЛОГИИ

²Самарское областное бюро судебно-медицинской экспертизы, Самара, Россия

²Samara Regional Bureau of forensic medical examination, Samara, Russia

Введение

Одним из важных аспектов течения инфекционного процесса, вызываемого вирусом гепатита С (HCV), является способность HCV-инфекции инициировать нарушения липидного обмена, сопровождающиеся системной патологической реакцией организма [1-3]. Возникающие вследствие указанной дислипидемии патобиохимические и патоморфологические процессы выходят за рамки органа-мишени - печени и способствуют возникновению новых или прогрессированию имеющихся заболеваний. Подобные метаболические нарушения, запускаемые различными патологическими факторами, одним из которых является HCV-инфекция, определены академиком В.С. Савельевым как липидный дистресс-синдром (ДДС) [4].

Опасность ДДС при хроническом вирусном гепатите С (ХГС) объясняется не столько утяжелением течения НСV-инфекции под влиянием вызываемых ДДС заболеваний, сколько их способностью к самостоятельному прогрессированию даже после элиминации НСV из организма. В этой связи необходимым компонентом изучения патофизиологических процессов, запускаемых НСV-инфекцией, представляется поиск методов прогнозирования развития ДДС после достижения устойчивого вирусологического ответа на проведенную по любой из известных схем лечения противовирусную терапию ХГС.

Ранее нами был разработан способ прогнозирования развития ДДС у больных ХГС при отсутствии противовирусной терапии [5]. Однако данный метод неприменим к пациентам с устойчивым вирусологическим ответом, а также характеризуется относительно низкими показателями точности прогноза, особенно чувствительности и прогностической ценности отрицательного результата прогнозирования [5]. Каких-либо иных способов прогнозирования ДДС при ХГС не существует.

Цель исследования – разработать на основе клинико-лабораторных данных способ прогнозирования развития липидного дистресс-синдрома у пациентов со стойким ответом на противовирусную терапию хронического гепатита C.

Материалы и методы

Среди пациентов Самарского областного гепатологического центра, открытого на базе кафедры и клиники инфекционных болезней Самарского государственного медицинского университета, за период 2008-2018 гг. были изучены исходы в отношении развития $\Lambda \Delta C$ у 235 пациентов с устойчивым вирусологическим ответом на противовирусную терапию XГС. Срок наблюдения за пациента-

ми после достижения стойкого вирусологического ответа составил 1-10 лет. В течение указанного срока наблюдения у 130 пациентов этой группы было зарегистрировано развитие $\Lambda \Delta C$, а у 105 пациентов $\Lambda \Delta C$ не развился. Выбывших из-под наблюдения или пациентов с неизвестным исходом в проведенном исследовании не было.

В ходе исследования анализировали результаты лабораторного анализа (иммунный статус: интерлейкины-1, -2, -4, -10, фактор некроза опухоли альфа, интерферон-гамма; показатели цитолиза (АЛТ, АСТ, билирубин, общий холестерин, ПТИ, белковые фракции), холестаза (щелочная фосфатаза, гамма-глутамилтранспептидаза), мезенхимально-воспалительного синдрома - тимоловая проба) липидного спектра (холестерин липопротеиды высокой плотности, холестерин липопротеиды низкой плотности, триглицериды, аполипопротеиды А и В, липопротеид (а)), гомоцистеин, метаболиты оксида азота обследования, проведенных на момент достижения устойчивого вирусологического ответа и в ходе дальнейшего наблюдения, а также пол и возраст пациентов. При включении в исследование в момент регистрации стойкого ответа у каждого пациента было зарегистрировано по 29 лабораторных и клинико-функциональных

Качественное и количественное определение HCV проводили методом полимеразной цепной реакции с помощью набора реагентов «Реал Бест РНК ВГС», чувствительностью 15 МЕ/мл (ЗАО «Вектор-бест», Новосибирск).

Факт развития $\Lambda \Delta C$ устанавливали при регистрации у пациента во время динамического наблюдения следующих показателей: дислипидемии (уровень общего холестерина превышает 6,0 ммоль/л, холестерина липопротеинов низкой плотности (ХЛПНП) > 3,0 ммоль/л, липопротеинов высокой плотности < 1,0 ммоль/л у мужчин и < 1,2 ммоль/л у женщин, триглицеридов > 1,7 ммоль/л), жировой инфильтрации печени, холестероза желчного пузыря, липогенного панкреатита.

Полученные данные случайным образом были разделены на 2 выборки из 135 и 100 пациентов. Результаты обследования 135 пациентов (80 пациентов с последующим развитием ЛДС и 50 без такового) использовали для построения дискриминантной модели. Для этого данные подвергали дискриминантному анализу методом групповых центроидов, используя пошаговый его алгоритм с исключением дискриминирующих переменных, в качестве которых использовали все регистрировавшиеся лабораторные показатели, а также возраст пациентов. Целью дискриминантного анализа являлось построение дискриминантной функции, позволяющей по оптимальному набору дис-

ЖУРНАЛ ИНФЕКТОЛОГИИ Том 11, № 4, 2019 43

криминирующих переменных отнести каждое новое наблюдение к одному из классов, отражающих развитие или отсутствие ЛДС в будущем. В соответствии с указанным алгоритмом на первом этапе анализа все переменные были включены в дискриминантную модель, а затем на каждом шаге устранялись те из них, которые вносили малый вклад в задачу прогнозирования развития ДДС. В качестве определяющего фактора для включения или исключения переменных из модели использовали значения соответствующих F-статистик (F включения > 11,0). Помимо F-статистик каждой из переменных, на каждом шаге алгоритма оценивали такие показатели, как λ дискриминантной модели в целом; λ каждой из переменных дискриминантной модели; частные статистики λ каждой из переменных модели; F-статистики дискриминантной модели в целом и толерантность каждой переменной дискриминантной модели.

После построения дискриминантной модели осуществляли ее кросс-проверку, используя данные обследования оставшихся 100 пациентов, не участвовавшие в дискриминантом анализе. Для обеспечения одинаковой априорной вероятности в отношении развития ДДС или его отсутствия указанная тестовая выборка из 100 пациентов была набрана случайным образом и содержала одинаковое количество пациентов развитием ДДС и с его отсутствием, а именно по 50 пациентов. В ходе тестирования определяли такие базовые показатели значимости диагностических методов, как чувствительность, специфичность, прогностическая ценность положительного и отрицательного результатов прогнозирования и индекс точности. Вероятности ошибок прогнозирования рассчитывали на основе переоценки плотностей распределения вероятностей значений дискриминантной функции у пациентов с развитием и отсутствием ДДС.

Математико-статистическая обработка данных выполнялась с использованием приложений Microsoft Excel пакета Office 2007 и Statistica (StatSoft) версии 7.0.

Результаты и обсуждение

На исходном этапе анализировали потенциальную диагностическую значимость 29 лабораторных и функциональных показателей. Из них наиболее адекватным в аспекте прогнозирования ЛДС являлся диагностический комплекс, включавший концентрацию следующих показателей крови: ХЛПНП, гомоцистеина, интерлейкинов 4 и 10 и фактора некроза опухоли (ФНО).

Основанная на данных показателях дискриминантная функция имела вид:

$$DF = 347,612x_{1} + 15,403x_{2} + 61,848x_{3} + 3,560x_{4} + 110,687x_{5}$$

где DF — значение дискриминантной функции; \mathbf{x}_1 — концентрация холестерина липопротеинов низкой плотности, ммоль/л; \mathbf{x}_2 — концентрация гомоцистеина, ммоль/л; \mathbf{x}_3 — концентрация интерлейкина 4, пг/мл; \mathbf{x}_4 — концентрация интерлейкина 10, пг/мл; \mathbf{x}_5 — концентрация фактора некроза опухоли, пг/мл.

Указанная дискриминантная функция в целом являлась статистически значимой ($\lambda=0,002; F=13,270, p<0,00001$). Остальные оценки качества полученной дискриминантной функции приведены в таблице.

Средние значения оценок дискриминантной функции в группе пациентов с развитием $\Lambda\Delta$ С и в группе с его отсутствием равнялись 4260,514 и 2161,665 соответственно. Отсюда значение константы дискриминации составило C=3211,09.

Значительная удаленность центров распределений значений дискриминантной функции у пациентов с развитием и отсутствием ЛДС друг от друга и небольшая дисперсия этих значений (стандартные отклонения 50,416 и 38,090 соответственно) обеспечивают безошибочность и однозначность прогноза развития липидного дистресс-синдрома (вероятность ошибки прогноза равна нулю).

Аналогичные результаты были получены путем тестирования данных биохимического и иммунологического исследования крови 100 пациентов с устойчивым вирусологическим ответом на противовирусную терапию ХГС, не участвовавших в дис-

 $\begin{tabular}{ll} \it X \it apaktepuctuku переменных дискриминантной модели прогнозирования $\Lambda \Delta C$ у пациентов \\ \it co$ стойким ответом на противовирусную терапию XГС

Дискриминирующая переменная	Wilks' λ	Partial λ	F	p	Толерантность
ХЛПНП	0,002	0,846	23,508	3,514·10 ⁻⁶	0,987
Гомоцистеин	0,002	0,905	13,536	3,425·10 ⁻⁴	0,961
Интерлейкин 4	0,002	0,890	15,916	1,104·10-4	0,973
Интерлейкин 10	0,002	0,884	16,928	6,876·10 ⁻⁵	0,965
ФНО	0,004	0,478	140,596	2,169·10-22	0,939

44 том 11, № 4, 2019 ЖУРНАЛ ИНФЕКТОЛОГИИ

криминантном анализе. Для обеспечения одинаковой априорной вероятности в отношении развития Λ ДС указанная тестовая выборка из 100 пациентов была набрана случайным образом и содержала одинаковое количество пациентов, у которых в течение 10 последующих лет наблюдения развился или не развился Λ ДС, а именно по 50 пациентов.

Проведенная кросс-проверка показала отсутствие как ложноположительных, так и ложноотрицательных результатов прогнозирования. ДС не развился ни у одного из 50 пациентов с отрицательным результатом и развился у всех пациентов с положительным результатом прогнозирования.

Таким образом, разработанная дискриминантная функция прогнозирования ЛДС характеризуется 100% показателями чувствительности, специфичности, прогностической ценности положительного и отрицательного результатов прогнозирования и индекса точности.

Центры распределений значений дискриминантной функции у пациентов тестовой выборки в группах с развитием и отсутствием ДДС равнялись 4259,840 и 2154,134 соответственно и были также значительно удалены друг от друга, а стандартные отклонения значений дискриминантной функции составили 53,544 и 37,711 соответственно. Отсюда вероятность ошибки прогноза развития ДДС также равна нулю даже при учете вместо выборочных значений указанных параметров распределений их интервальных оценок, наихудших в плане точности прогнозирования.

Полученные данные позволяют осуществлять прогнозирование развития $\Lambda \Delta C$ у пациентов со стойким ответом на противовирусную терапию ХГС. Δ ля этого необходимо оценить у пациента с устойчивым вирусологическим ответом комплекс из 5 указанных показателей и решить дискриминантную функцию, подставив в нее полученные значения. При DF > C прогнозируют развитие, а при $DF \leq C$ прогнозируют отсутствие развития $\Lambda \Delta C$ в течение последующих 10 лет жизни.

Практическое использование разработанной дискриминантной модели прогнозирования ЛДС у пациентов со стойким ответом на противовирусную терапию ХГС целесообразно продемонстрировать на следующих примерах.

Пример 1

У пациента Г., 39 лет с устойчивым вирусологическим ответом на противовирусную терапию ХГС определены следующие значения лабораторных по-казателей крови: ХЛПНП - 3,44 ммоль/л; гомоцистеин - 15,2 ммоль/л; интерлейкин 4 - 9,14 пг/мл, интерлейкин 10 - 81,9 пг/мл; ФНО - 17,0 пг/мл.

Значение дискриминантной функции для данных показателей равняется:

 $DF = 347,612\cdot3,44 + 15,403\cdot15,2 + 61,848\cdot9,14 + 3,560\cdot81,9 + 110,687\cdot17 = 4168,445.$

Поскольку полученное значение DF > C, то делают вывод о развитии $\Lambda \Delta C$ у данного пациента в течение последующих 10 лет жизни.

Через 3 года наблюдения в клинике инфекционных болезней Самарского государственного медицинского университета у данного пациента было зарегистрировано развитие ЛДС.

Пример 2

У пациента Ж. 42 лет с устойчивым вирусологическим ответом на противовирусную терапию ХГС определены следующие значения лабораторных показателей крови: ХЛПНП - 2,34 ммоль/л; гомоцистеин - 8,4 ммоль/л; интерлейкин 4 - 4,25 пг/мл, интерлейкин 10 - 37,4 пг/мл; ФНО - 7,3 пг/мл.

Значение дискриминантной функции для данных показателей равняется:

 $DF = 347,612\cdot2,34 + 15,403\cdot8,4 + 61,848\cdot4,25 + 3,560\cdot37,4 + 110,687\cdot7,3 = 2146,81.$

Поскольку полученное значение DF < C, то делают вывод об отсутствии развития $\Lambda \Delta C$ у данного пациента в течение последующих 10 лет жизни.

Через 10 лет наблюдения в клинике инфекционных болезней Самарского государственного медицинского университета у данного пациента ЛДС не развился.

Выводы

- 1. Разработанная дискриминантная модель позволяет путем определения 5 биохимических и иммунологических показателей крови (ХЛПНП, гомоцистеина, интерлейкинов 4 и 10, ФНО) прогнозировать развитие ЛДС у пациентов со стойким ответом на противовирусную терапию ХГС.
- 2. Чувствительность, специфичность, прогностическая ценность положительного и отрицательного результатов прогнозирования и индекс точности разработанной дискриминантной модели прогнозирования ЛДС равны 100%.
- 3. Предложенный метод целесообразно использовать в клинической практике для прогнозирования развития ЛДС у пациентов со стойким ответом на противовирусную терапию ХГС.

Исследование не имело спонсорской поддержки. Авторы заявляют об отсутствии конфликта интересов.

Литература

- 1. Гурницкая, М.В. Состояние липидного обмена при хронических заболеваниях печени : автореф. дисс. ... канд. мед. наук / М.В. Гурницкая. Ставрополь, 2006.
- 2. Константинов, Д.Ю. Хронический вирусный гепатит С и состояние гепатобилиарной системы : монография / Д.Ю. Константинов, Л.Л. Попова, О.О. Голик. Самара: Вектор, 2018. 246 с.
- 3. Ткаченко, Л.И. Нарушение липидного обмена у больных хроническим гепатитом С / Л.И. Ткаченко, В.В.

ЖУРНАЛ ИНФЕКТОЛОГИИ Том 11, № 4, 2019 **45**

Малеев, Д.М. Сариева // Архив внутренней медицины. - 2015. - № 6(26). - С. 50 - 56.

- 4. Савельев, В.С. Липидный дистресс-синдром : Руководство для врачей. 3-е изд., доп. и перераб. / В.С. Савельев, В.А. Петухов. М.: МАКС Пресс, 2010, 657 с.
- 5. Константинов, Д.Ю. Прогнозирование развития липидного дистресс-синдрома при хроническом вирусном гепатите С / Д.Ю. Константинов [и др.] // Инфекционные болезни. 2018. № 16(4). C. 34 37.

References

1. Gurnitskaya MV. Sostoyanie lipidnogo obmena pri khronicheskikh zabolevaniyakh pecheni. Diss. Stavropol, 2006. (In Russian).

- 2. Konstantinov DYu, Popova LL, Golik OO. Khronicheskii virusnyi gepatit C i sostoyanie gepatobiliarnoi sistemy: monografiya. Samara: "Vektor" Publ., 2018, 246 p. (In Russian).
- 3. Tkachenko L.I., Maleev V.V., Sarieva D.M. Narushenie lipidnogo obmena u bol'nyh hronicheskim gepatitom S. Arhiv vnutrennej mediciny. 2015;6(26):50-6. (In Russian).
- 4. Savel'ev VS, Petukhov VA. Lipidnyi distress-sindrom. Moscow: «MAKS Press» Publ.,2010, 657 p. (In Russian).
- 5. Konstantinov D.Ju., Nedugov G.V., Suzdal \cdot cev A.A., Konstantinova E.A. Progno-zirovanie razvitija lipidnogo distress-sindroma pri hronicheskom virusnom ge-patite S. Infekcionnye bolezni. 2018; 16(4): 34-37. (In Russian).

Авторский коллектив:

Константинов Дмитрий Юрьевич — доцент кафедры инфекционных болезней с курсом эпидемиологии Самарского государственного медицинского университета, к.м.н., доцент; тел.: 8(846)260-06-39, +7-917-157-20-50, e-mail: dk.samgmu@mail.ru

Недугов Герман Владимирович — заведующий судебно-гистологическим отделением, врач — судебно-медицинский эксперт Самарского областного бюро судебно-медицинской экспертизы, к.м.н.; тел.: 8(846)241-66-77, e-mail: nedugovh@mail.ru

46 том 11, № 4, 2019 ЖУРНАЛ ИНФЕКТОЛОГИИ